



AUTOMNE 2019

SOMMAIRE :

- Nouveaux services et nouveautés au programme GenOvis
- Nouveaux projets en génétique
- Paramètres génétiques
- Retour sur les Ateliers spécialisés

DANS CE NUMÉRO :

Nouveaux services disponibles	1
Nouveautés au programme GenOvis	2
Projet Accréditation des mesures aux ultrasons	2
Mise à jour des paramètres génétiques	3
Projet Producteurs commerciaux	3
Ateliers spécialisés	4

Nouveaux services disponibles

L'équipe génétique a développé de nouveaux outils pour faciliter votre travail et valoriser les données collectées dans la base de données de GenOvis. Différents services ont été développés, au courant de la dernière année, pour répondre aux besoins exprimés par les utilisateurs du programme génétique.

Enregistrement de sujets à la SCEA

L'équipe génétique peut extraire les informations nécessaires à l'enregistrement de vos sujets à la SCEA à partir de la base de données de GenOvis.

Pour ce faire :

- Les numéros d'enregistrement des parents doivent avoir été entrés dans GenOvis ou être ajoutés manuellement par l'éleveur dans le fichier produit par l'équipe génétique.
- L'éleveur doit fournir une liste des sujets qu'il désire enregistrer – idéalement dans un fichier Excel (liste d'ATQ ou de tatouages).
- Un fichier Excel est retourné à l'éleveur pour validation.
- L'éleveur doit acheminer le fichier validé à la SCEA

Il n'y a pas de pont direct entre GenOvis et la SCEA, qui demeurent deux bases de données distinctes et indépendantes.

Fichier de données complètes pour les ventes

Il est maintenant possible d'obtenir un nouveau fichier Excel contenant l'ensemble des informations demandées par un futur acheteur. Ces informations sont extraites de la base de données de GenOvis par l'équipe génétique à partir d'une liste de sujets à vendre fournie par l'éleveur.

- L'éleveur doit fournir une liste des sujets qu'il désire vendre – idéalement dans un fichier Excel (liste d'ATQ ou de tatouages).
- Le fichier complet contiendra toutes les valeurs génétiques, les données de performances, le génotypage, la classification (conformation), etc. – *si ces données sont entrées dans GenOvis.*

Taux d'apparentement entre 2 béliers

Cette donnée permet de connaître le niveau d'apparentement entre deux béliers (proximité génétique) et de valider l'originalité génétique d'un nouveau bélier par rapport aux béliers déjà présents dans l'entreprise.

Cet outil assiste également les éleveurs pur-sang à bien sélectionner des béliers qui correspondront aux besoins des producteurs commerciaux qui produisent leurs femelles de remplacement. Plusieurs éleveurs pur-sang ont une taille de troupeau suffisante pour vendre des brebis et béliers non-apparentés à leurs clients.

Nouveautés au programme GenOvis

De nouvelles données peuvent être entrées dans le programme GenOvis pour les utilisateurs intéressés à suivre les performances de leurs brebis selon le type d'accouplement utilisé. De plus, le rapport d'évaluation de troupeau peut maintenant être trié par race des agneaux, race des brebis ou pour l'ensemble du troupeau. Ces nouveaux modes de triage offrent plus de flexibilité aux utilisateurs ayant plus d'une race ou croisement afin de faire un meilleur suivi des performances de leur troupeau.

Rapport d'évaluation de troupeau

Nouveau mode de triage pour le rapport d'évaluation de troupeau:

- Données par **type racial des agneaux** nés (By lamb breed)
- Données par **type racial des brebis** ayant agnelé (By dam breed)
- Données globales** de l'entreprise (Overall)

- À venir éventuellement :
Données par type d'accouplement

Le type d'accouplement est une nouvelle donnée pouvant être enregistrée dans GenOvis. Pour l'instant, cette donnée n'est pas présente sur les différents rapports, mais pourrait être intéressante à considérer éventuellement, notamment dans le suivi annuel de la production du troupeau.

Enregistrer le type d'accouplement

- Sélectionner le groupe contemporain sous l'onglet **Animaux**
- Appuyer sur **Set preg type** (bouton à la droite de l'écran juste au-dessus des rapports)

Set preg type

- Inscrire le numéro qui correspond au type d'accouplement

0- Inconnu
1- Naturel
2- IA
3- CIDR
4- MGA
5- Photopériode

- Appuyer sur **Ok**
- Le type d'accouplement s'appliquera à l'ensemble du groupe.

Pour éditer un agneau en particulier :

- Cliquer sur **Modifier un animal**
- Remplir le champ-texte **Pregtype** sous l'onglet **Identification**

Pregtype 0

- Appuyer sur **Enregistrer**.

Nouveau projet de recherche : Mesures ultrasons

Développement d'un programme d'accréditation des mesures ultrasons chez l'ovin

L'objectif principal du projet est de développer un programme d'accréditation chez l'ovin, afin d'établir des standards nationaux lors de la prise de mesures aux ultrasons et l'acquisition de données destinées au programme génétique GenOvis.

Objectifs secondaires :

- Mesurer l'effet de la présence et du type de laine sur la qualité des mesures aux ultrasons;
- Évaluer l'efficacité de différentes sondes disponibles pour les mesures chez l'ovin;
- Évaluer l'effet de la technique d'immobilisation sur la qualité des mesures réalisées.





Mise à jour
nécessaire aux
5 ans

« Les nouveaux
paramètres
utilisés sont plus
représentatifs de
notre population
ovine
d'aujourd'hui. »

Mise à jour des paramètres génétiques

Le 20 novembre dernier, CGIL a effectué une mise à jour des paramètres génétiques utilisés à l'intérieur du module de calcul des ÉPD.

La mise à jour des paramètres génétiques est une opération normale, qui est effectuée tous les 5 ans, afin d'obtenir des valeurs génétiques plus représentatives des animaux actuels. Ces paramètres touchent notamment l'hérédité des caractères et les corrélations génétiques entre les caractères (liens entre les différents ÉPD). Plus la base de données est volumineuse, plus précis seront les paramètres génétiques utilisés pour calculer les valeurs génétiques. Une mise à jour tous les 5 ans est souhaitable, car elle permet d'intégrer plus de don-

nées et les nouvelles données enregistrées sont généralement de meilleure qualité.

Vous pourriez remarquer que les valeurs génétiques de vos animaux ont varié légèrement suite à l'implantation des nouveaux paramètres. La distinction entre la mère biologique et la mère adoptive, une amélioration importante de la qualité des données mise en place lors du changement de programme en 2016, explique en bonne partie les changements observés au niveau des paramètres génétiques. Cette amélioration et l'ajout de données dans le programme a renforcé les liens entre les agneaux et leurs mères, ce qui rend le programme GenOvis plus performant pour évaluer ces caractères.

Les nouveaux paramètres utilisés sont plus représentatifs de notre population ovine d'aujourd'hui et permettront de sélectionner les sujets les plus prometteurs pour l'avenir. Le principal caractère touché est la survie, mais quelques éleveurs pourraient également remarquer des variations au niveau de d'autres caractères. Suite à ces changements de paramètres, les meilleurs sujets restent les meilleurs.

N'hésitez pas à nous soumettre les ID d'animaux pour lesquels vous avez des questionnements suite à la mise à jour des paramètres génétiques.

Nouveau projet pour les producteurs commerciaux

Rapports
adaptés aux
producteurs
commerciaux



Développement des rapports adaptés au suivi des élevages commerciaux afin d'améliorer les performances technico-économiques

Ce projet vise le développement de nouveaux rapports adaptés au suivi d'élevages commerciaux. Parmi les rapports ciblés: des rapports facilitant la sélection des brebis à réformer, la sélection de sujets reproducteurs et le suivi des performances du troupeau seront créés. De nouveaux producteurs commerciaux seront recrutés afin participer au développement des rapports et partager leurs besoins.



Projet de la SEMRPQ

Ateliers spécialisés : rencontres très bénéfiques pour les éleveurs

Au total, ce sont 5 rencontres de races qui ont été offertes aux éleveurs pur-sang afin de les aider à orienter le développement de leur race. Les participants étaient appelés à échanger et à s'entendre sur les grandes orientations à prendre pour faire progresser leur race. M. Frédéric Fortin, généticien du CEPOQ, agissait en tant que personne ressource pour aider les éleveurs à identifier les forces et les faiblesses de leur race et les actions à mettre en place pour améliorer chacune des races.

Les principaux points de discussion étaient:

Réduire l'intervalle de génération de leurs béliers

- utiliser des béliers n'ayant pas plus de 24 mois à la naissance des agneaux.
- enjeux soulevés par le éleveurs :
Difficulté à vendre un bélier ayant déjà travaillé (risque d'introduction de maladies) et débouchés plus difficiles pour les béliers dans certaines races.
- jeunes béliers éprouvés : excellentes occasions pour les producteurs commerciaux (physiquement plus développés, fertilité assurée, excellent génétique, etc.).

Utilisation de l'insémination artificielle

- certains groupements de races sont intéressés à utiliser l'insémination artificielle.
- recherche de semence hors Canada / canadienne / québécoise selon les races.
- mise en place d'un schéma de béliers de référence (SEMRPQ).

Mesures aux ultrasons – races maternelles

- certaines contraintes ont été soulevées par les éleveurs (volume d'agneaux à sonder, présence de poils à travers la laine)
- suivre de 2 à 3 troupeaux par race permet de suivre l'évolution du muscle et du gras dans le temps.

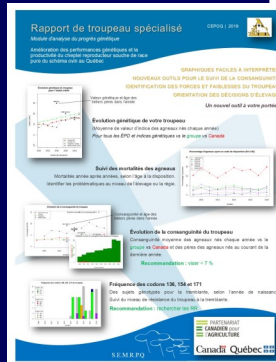
Indice personnalisé

- certaines races ont manifesté le désir d'avoir leur propre indice personnalisé.

À venir

- prochaine rencontre : idéalement au printemps (année complétée, permet la planification des saillies de l'automne).

Une fiche
technique sera
disponible sous
peu pour faciliter
la compréhension
des rapports
personnalisés.



Pour nous rejoindre :

✉ CEPOQ, 1642, rue de la Ferme
Ste-Anne-de-la-Pocatière (Qc) G0R 1Z0
☎ 418 856-1200, poste 224
@ : genovis@cepoq.com
🌐 : www.genovis.ca
📍 : <http://quartet.aps.uoguelph.ca/csges/>



Rédacteurs:

Cathy Thériault-Landry, tpa
Service à la clientèle — Au Québec
Amélie St-Pierre, tsa
Service à la clientèle — Hors Québec